

番号	名前	所属	タイトル	研究分野
P1	愛知 慶大	福井大学	転写制御因子の配列特異性の理解に向けた化学反応モデルの構築	数理生物学
P2	青木 一洋	基生研/ExCELLS	細胞周期関連因子の可視化と光操作による細胞周期の定量的理解	細胞生物学
P3	安部川 拓海	東京大学	マウス肝臓の中心炭素代謝における $\Delta rG'$ の経時的秩序と、その制御の $\Delta rG'$ による定量的解明	システム生物学
P4	新垣 大幸	大阪大学理学研究科	脊椎動物の生活史には分類階級によらない 2 種類の表現型多様性が存在する	進化生態学
P5	栗津 暁紀	広島大学大学院統合生命科学研究所	NGS データ解析やネットワーク力学系による形態形成や疾患の考察	理論と実験
P6	一井 俊介	東京大学	細胞内部の空間構造による反応の最適制御の変化	生物物理
P7	市川 社彦	金沢大学	化学固定は膜タンパク質を凝集することにより細胞表面にナノスケールのクラスターを形成する	AFM開発
P8	市原 沙也	遺伝学研究所	線虫初期胚における転写活性の可視化とその核内不均一性の定量化	細胞生物学
P9	伊藤 冬馬	基礎生物学研究所	Bow-tie 構造の進化原理	システム生物学
P10	井上 雅世	九州工業大学	遺伝子発現制御ネットワークモデルの応答ダイナミクス次元圧縮	理論生物学
P11	今村 隆輝	広島大学大学院 統合生命科学研究所	社会性行動の理解に向けたオペランド 4D 計測技術の開発	バイオイメージング
P12	上道 雅仁	東大総合文化	深層学習を用いた細胞重心運動における運動規則のデータ駆動推定	単細胞運動、集団運動、機械学習
P13	大久保 理紗	慶應大学システム生物学研究室	転写因子-DNA 相互作用を考慮した深層学習による 遺伝子制御ネットワーク推定アルゴリズムの構築	システム生物学
P14	大河内 康之	京都大学医学部 (広島大学)	シングルセルRNAseqデータからの細胞空間配置予測	1細胞ゲノミクス
P15	太田 亮作	広島大学	タンパク質立体構造情報に基づくヒト免疫不全ウイルスの薬剤耐性の予測	バイオインフォマティクス
P16	大森 敏明	神戸大学	データ駆動型アプローチによる神経ダイナミクスの推定制御	データ駆動科学, 計算神経科学
P17	岡田 雅規	広島大学	混雑環境と分子の構造変化を考慮した反応拡散モデル	数理生物学・モデル
P18	荻田 豪士	理研BDRフィジカルバイオロジー研究チーム	1細胞から細胞集団にキラリティを変換する細胞間力学的相互作用の解明を目指して	形態形成の力学、統計推定
P19	尾崎 拓馬	京都大学大学院生命科学研究所分子情報解析学分野	ウイルスタンパク質による細胞内器官の形態変化の定量的解析	ウイルス学
P20	河西 碩紀	東京大学大学院新領域創成科学研究科	エージェントベースモデルを用いた養子免疫細胞療法における免疫抑制機構の解析	数理生物学
P21	梶田 真司	福井大学	空間を考慮した転写ダイナミクスの数理モデリング	数理生物学
P22	片岡 優之介	広島大学理学部数学データ駆動生物学研究室	最適輸送による臓器ネットワーク解析	理論生物学
P23	加藤 宗	広島大学	コモリの超音波センシングによる三次元音響定位手法の検討	数理生物学、生物音響学
P24	金子 貴輝	広島大学 データ駆動生物学	混合マルチモーダルVAEによる1細胞マルチオミクスデータの低次元表現	機械学習
P25	鎌迫 睦	広島大学	コモリの超音波ナビゲーションの意思決定メカニズムについての数理分析	数理生物学、生物音響学
P26	川田 龍輔	広島大学理学部数学科 データ駆動生物学研究室	ガウス過程回帰を用いた微生物型ロドプシン膜電位センサーの配列最適化	総合生物
P27	草野 達哉	電気通信大学	骨格筋における筋収縮後の遺伝子発現の時間応答性および強度依存性の定量的解析	健康・スポーツ科学
P28	久保田 光紀	立命館大学 生命科学部 生命情報学科 生物計算研究室	脂質二重膜モデルでの伝熱特性の解析	生命システムの情報処理
P29	小池 二元	京都大学	神経回路形成原理の解明に向けた新規解析手法の開発	理論生物学
P30	高坂 仁	立命館大学	機械学習による 3D 細胞モデル構築とオルガネラ情報の定量化 - FIB-SEM を用いた細胞画像の解析 -	生物情報学
P31	小林 徹也	東京大学生産技術研究所	化学反応システムの熱力学とその応用	理論生物学・定量生物学
P32	小本 哲史	広島大学大学院 統合生命科学研究所	柔らかさという物理情報による染色体配置制御	ゲノム科学
P33	齊藤 稔	広島大学	アクティブ変形細胞モデルに現れる細胞形状転移現象	生物物理、数理生物学
P34	坂口 峻太	京都大学生命科学研究科	空間情報を付加したショウジョウバエ原腸胚の1細胞トランスクリプトームアトラス	発生生物学
P35	澤田 泰宏	国立障害者リハビリテーションセンター	受動的頭部運動の高血圧改善効果	メカノバイオロジー
P36	渋谷 優介	慶應大学舟橋研究室	神経ネットワーク構造に着目した機械学習アルゴリズムによる学習収束速度の向上	機械学習
P37	嶋村 社太	東京大学総合文化研究科	接着力を取り入れたアクティブブラウン粒子モデル	アクティブマター、シミュレーション
P38	陣内 あやか	慶應義塾大学大学院 理工学研究科 基礎理工学専攻 生命システム情報専修	線虫初期胚発生過程における細胞間接着力不均一性の解析	システム生物学
P39	杉村 薫	東京大学	細胞配置換えにおける細胞接着面切り替えの分子・物理メカニズム	発生生物学、生物物理学
P40	鈴木 蒼保	東大・新領域	多要素システムの進化情報学	進化学・生物物理学
P41	鈴木 団	大阪大学蛋白質研究所	光熱変換技術で見いだされたカルシウム放出チャネルRyR1 変異体の異常に高い熱感受性	生物物理
P42	曾谷 祐太	電気通信大学	レジスタンス運動後の骨格筋タンパク質合成シグナル伝達の数理モデル構築	筋生理
P43	高木 拓明	奈良県立医科大学	細胞膜上シグナル伝達分子のクラスター形成に関する数理的解析	生物物理学、理論生物学
P44	高島 芳樹	東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻	細胞性粘菌 Dictyostelium discoideum の細胞外 cAMP に対するケモキネシスの解析	細胞運動
P45	高田 咲良	慶應義塾大学理工学部	細胞サイズの空間でチューリングパターンを創る	合成生物学
P46	田川 晴奈	奈良先端科学技術大学院大学先端科学技術研究科	グリオーマ細胞の突起形成と移動の特性解析	生物物理

P47	田中 佳乃	東京大学大学院理学系研究科生物化学専攻、澤井研究室	フィブロネクチンに対する好中球の走触性の解析	細胞生物学、細胞運動
P48	塚田 祐基	名古屋大学大学院理学研究科	空間探索に関わる神経回路と情報理論	画像処理、イメージング、神経科学
P49	堤 真人	東大・理	変分オートエンコーダを用いた霊長目の下顎形態特微量抽出	生物物理学、生物情報
P50	冨樫 祐一	立命館大学	少数性問題と構造機能相関を再考する	計算生物物理学
P51	徳岡 雄大	慶應義塾大学	精子形成理解のための深層学習を用いたマウス精細管ステージ予測モデルの開発	発生生物学/機械学習/画像解析
P52	中西 大斗	広島大学大学院統合生命科学研究科	空間的局所相互作用を伴う動的可塑性結合力学系の自発的ネットワーク構造形成	大自由度力学系
P53	中牟田 旭	京都大学理学部	モータータンパク質の「隠れた散逸」を突き止める	生物物理学
P54	中村 岳広	東京大学大学院総合文化研究科	培養表面の不均一なフィブロネクチンに対する初代培養神経細胞の運動の定量的解析	細胞運動
P55	長村 徹	大阪大学 情報科学研究科 バイオ情報工学専攻	動画シミュレータと強化学習による細胞追跡手法	バイオイメージング/オマトイクス
P56	中村 能之	東京大学、理化学研究所 BDR	細胞分化の階層性と不可逆性に関する理論	理論生物学
P57	難波 利典	東京大学	テクスチャテンソルを用いた上皮組織形態変化の定量的解析	生物物理
P58	西 健太郎	広島大学	最適輸送によるクラス欠損にロバストなマルチモダリティデータ統合	データ駆動生物学
P59	西田 慧	東京大学理学部 (古澤力研)	ホスト・パラサイト分子複製ネットワークのダーウィン進化による複雑化	理論生物物理
P60	西出 亮介	東京大学 総合文化研究科	曲率により駆動される伝播パターン	生物物理/数理生物
P61	西本 翔太	広島大学統合生命科学研究科	異常な細胞を含む細胞集団における細胞競合の力学シミュレーション	数理生命科学
P62	野々山 朋信	秋田県立大学	胚発生における微小管の動態	数理生物学
P63	波田野 大地	京都大学生命科学研究所	抗がん剤処理におけるsc-RNA発現変化の潜在意味解析	理論生物学
P64	東野 伊織	広島大学大学院統合生命科学研究科 統合生命科学専攻数理生命科学プログラム	自由エネルギー原理に基づく葛藤を考慮したリスク選択課題におけるヒトの知覚意思決定プロセスの定式化	脳科学
P65	比企 佑介	慶應義塾大学大学院理工学研究科	深層学習による in vivo を指向した遺伝子制御ネットワーク推定手法の開発	システム生物学
P66	広井 賀子	神奈川工科大学/慶應義塾大学	GSR変化と結びつく微小時間表情の同定	物理生物、生物模倣工学、生物データ科学
P67	廣中 謙一	株式会社ナレッジパレット	超多検体 bulk Quartz-Seq2 を用いたハイスループット表現型スクリーニングによるトランスクリプトーム創薬	バイオインフォマティクス
P68	福井 雅也	広島大学理学部数学科	細胞骨格モデルによるアクチンフィラメント集合体のシミュレーション	細胞骨格
P69	藤井 雅史	広島大学大学院統合生命科学研究科	粗視化分子動力学モデルによるタンパク質動態の定量評価	理論生物
P70	藤田 卓	東京大学	ヒト血中インスリンによるアミノ酸および脂質代謝制御機構の数理モデルを用いたシステム同定	システム生物学
P71	堀部 和也	大阪大学	新種が侵入し成長する生態系の個体群動態の時間発展を追う:群集アセンブリモデルを用いた大域的安定性の解析	理論生物、人工生命
P72	本田 玄	東京大学 大学院総合文化研究科 先進科学研究機構	細胞抽出液下で生じる膜流動性の喪失メカニズム	細胞の生物物理学
P73	本田 直樹	広島大学統合生命科学研究科	逆自由エネルギー原理による心の揺れのデータ駆動的解説 ~あいまい環境における好奇心ダイナミクス~	データ駆動生物学・理論生物学
P74	前岡 遥花	広島大学統合生命科学研究科	Development and application of a real-time 4D quantum temperature imaging system	バイオイメージング
P75	松木 翔	青山学院大学	ゼブラフィッシュ心臓における細胞外マトリックスの弾性率の AFM 測定と細胞運命制御機構	生物物理
P76	宮木 慎太郎	慶應義塾大学大学院理工学研究科	正解データ作成を不要とする教師なしドメイン適応による細胞セグメンテーションアルゴリズムの開発	機械学習
P77	森 功佑	広島大学大学院現象数理科学研究室	2種細胞間の境界パターン形成の動態モデルと定量的解析	理論生物学
P78	矢田 真奈	京都大学生命科学研究所	古典的条件づけの反射応答性を説明する恒常性強化学習	理論生物学
P79	矢田 祐一郎	広島大学	階層ベイズモデルによるアルツハイマー病モデルマウスでのアミロイドβ蓄積量の予測	データ駆動生物学
P80	山田 貴大	慶應義塾大学理工学部生命情報学科	極限乾燥耐性に対する水による影響の反応速度論的考察	生物物理
P81	山田 恭史	広島大学	コウモリを題材とした高速耳介運動を伴う三次元音源定位手法の理論検証	数理生物学、音響工学、動物行動学
P82	山本 啓	京都大学	アクチン重合の光操作ツールの開発	細胞生物学
P83	横山 寛	広島大学大学院統合生命科学研究科 /生理学研究所・神経ダイナミクス研究部門	データ同化を応用したカルシウムイメージングデータからの神経ネットワーク動態の再構成手法の検討	脳情報工学
P84	横山 文秋	東京大学	細菌-細胞由来細胞外膜小胞の定量に向けたマイクロ流体デバイスの開発	微生物学
P85	吉田 純子	奈良県立医科大学生理学第二講座	多能性幹細胞変異体の不均一性の解析	分子生物学、遺伝学、再生医科学
P86	吉戸 香奈	京都大学 (広島大学)	幹細胞の階層性と中立競合による組織恒常性維持メカニズム	理論生物学
P87	若尾 真吾	広島大学大学院統合生命科学研究科	核スペックルの構造形成・動態のシミュレーション	核内構造体
P88	渡邊 絵美理	東京大学大学院 新領域創成科学研究科	振動子集団の同期度の時間変化から固有振動数のばらつきと結合強度を推定する	数理モデル
P89	渡辺 開智	広島大学大学院 統合生命科学研究科	ウニから始まる CTCF の新機能解析	発生過程とゲノム構造動態
P90	渡辺 隆太	青山学院大学	自己組織化過程における細胞挙動の解析	生物物理